巨型 3D 打印机可快速建造碳纤维中子火箭

科技日报北京10月23日电(记者 刘霞)制造大型复合材料火箭绝非易事, 工程师团队需要耗费大量时间,手工铺 设成千上万层碳纤维,以确保其精确对 齐。据美国趣味科学网站22日报道,为 大幅缩短这一耗时过程,美国火箭实验 室公司使用了一款重达90吨的巨型3D 打印机——自动纤维铺设(AFP)机,能 将上述过程从几周缩短至一天。

该公司宣称,AFP机能以惊人速度

制造碳纤维层,并以超高精度构建复杂 结构。目前,公司正利用AFP机打造中 子火箭,有望将火箭制造时间减少15 万个工时,这将显著提升中子火箭的生 产效率,使其更具成本效益。一旦完 成,中子火箭将成为全球最大碳复合材 料火箭。

今年8月,该公司在位于美国马里 兰州的中子火箭工厂安装了这台巨型 AFP机。这台机器长12米,能生产火 箭上由碳复合材料制成的所有大型部 件,包括28米长的级间段和整流罩、直 径7米的火箭一级箱和直径5米的火箭 二级箱的面板。

火箭实验室公司指出,AFP机能以 每分钟100米的速度,快速铺设碳纤维 复合材料。此外,它还内置了一个检测 系统,能在铺设碳纤维复合材料的过程 中,自动检查其中的微小缺陷。一旦发 现瑕疵,系统将立即提醒操作员予以修

复,从而确保运载火箭的结构符合质量 标准。

火箭实验室的中子火箭计划大规 模采用碳纤维复合材料。这种材料不 仅强度惊人,而且重量极轻,是太空旅 行的理想选择。

该公司表示,在这款巨型3D打印 机的帮助下,他们将能以更低成本、更 快速度制造出中子火箭。第一枚中子 火箭预计于2025年发射升空。

20亿年的"时间胶囊"讲述生命奇迹

(() 今日视点

◎本报记者 张佳欣

在宇宙的宏大时间线上,人类的存 在只不过是一瞬。然而,微生物的世界 遵循着一套截然不同的法则。

例如,2020年,科学家成功复活了 距今已有1亿年历史的微生物,使其成 为科学界已知的最古老微生物。最近 的《微生物生态学》杂志报道称,日本东 京大学科学家打开了从南非东北部布 什维尔德火成岩杂岩体采集的丰富矿 藏,惊讶地发现,样本中包含着20亿年 前就存在的微生物!由于这些微生物 处于极端隔离状态,几乎没有表现出进 化方面的变化,因此为研究地球的遥远 历史和地外生命提供了宝贵线索。

已知最古老微生物"现身"

研究团队在地下15米处取得了一 个30厘米长的岩芯样本,并将其切割 成薄片,发现样本中的黏土十分密集, 微生物无法离开,其他物质也无法进 入,从而有效地将微生物保存了数十亿 年之久。

要想揭开这些隐藏了数十亿年的 微生物的秘密,仅仅用确定生物年龄和 起源的方法还不够,必须在此基础上进 行拓展。于是,研究团队又结合了3种 成像方法——电子显微镜、荧光显微镜 和红外光谱分析,以确认这些微生物是 真的如此古老,还是在挖掘和分析过程 中从外界带入的污染。

为确保样本在提取过程中未受污 染,研究团队首先使用光学光热红外 光谱仪检测了微生物,随后用绿色溶 液对它们细胞的 DNA 进行染色,观察 了微生物的蛋白质以及它们周围的黏 土栖息地。他们认为,这些微生物确 实生活在裂缝样本中,而且是那里的 "本地"生物。

然后,他们利用扫描电子显微镜和 荧光显微镜技术对样本进行了检查。 这种三管齐下的方法让他们最终确定, 这些微生物确实已被岩石困住达20亿 年之久。他们在论文中报告:"这是迄 今为止在古代岩石中发现的、最古老的 活微生物的例子。"

岩层环境阻止微生物进化

这些微生物之所以在这里一直繁 衍生息,很大程度上可能要归功于它们 的栖息地——南非东北部的布什维尔 德火成岩杂岩体。这是一个面积约4.1 万平方公里的区域,以丰富的矿藏而著 称,全球已开采的铂金中,约70%就来 自这里。数十亿年前,地下深处厚达 9000多米的区域,岩浆逐渐冷却凝固, 从而形成了这片岩石侵入体。

自形成以来,这些岩层基本保持不 变,一些古老的微生物生命得以在其中 "扎根"并繁衍生息。同时,黏土沉积物 覆盖了这些裂缝附近的一切空隙,将微 小的生物困在里面,同时阻止其他任何

研究人员推测,这样的环境如同一 个"时间胶囊",为微生物生命的持续提 供了稳定环境,使其以极慢的速度延 续,几乎没有任何进化上的改变。

科学家认为,近年来,地下微生物 学的研究进展表明,尽管岩石与水相互 作用提供的能量十分有限,但有着数百



这块岩石中发现的古代微生物可能是寻找火星及其他星球生命的关键。 图片来源:日本东京大学

万年历史的火成岩仍然具有宜居性。 地下生态系统中,生物进化微乎其微, 且代谢速率极低,因此,时空稳定的火 成岩能够在地质时间尺度上维持微生 物的生存。

为寻找外星生命提供新线索

这篇论文的主要作者庸平铃木之 前曾分析过在海底发现的、曾被认为 是最古老的地质层,其历史可追溯至 1亿年前。然而,此次新样本让人们 得以一窥更遥远的过去——20亿年 前。这引发了一个诱人的问题:地球 以外的生命是否可能存在于古老岩石 的裂缝中?

这些古老的微生物在没有阳光的 环境下生存,通过与周围矿物的化学反

应来获取能量。这种生存机制可能为 探索其他天体(如火星或木卫二等卫 星)表面之下是否存在生命提供了宝贵 线索。

铃木称:"美国国家航空航天局 (NASA)的'毅力号'火星车正在收集 一些岩石样本,与我们这项研究中所用 的岩石年龄相似。我们能在20亿年前 的地球样本中发现微生物生命,并能确 认其真实性,这让人们对可能在火星样 本中找到的东西感到兴奋。"

铃木团队认为,这项新研究将有助 于指导外星样本的研究。美国《大众机 械》杂志网站报道称,尽管按照 NASA 目前的计划,火星样本要到2040年,甚 至可能更晚才会被带回地球,但地球以 外存在生命,至少是微生物生命的可能 性正变得越来越大。

科技日报北京10月23日电 (记者张梦然)据《自然》杂志23日发 表的论文,美国杰克逊实验室、麻省 理工学院和哈佛大学布罗德研究所 以及耶鲁大学的团队利用人工智能 (AI)技术设计出数千个新的 DNA 开关。这些新设计的元件能够精准 控制基因在不同类型细胞中的表 达,为人类健康与医学研究提供了 前所未有的可能性。

尽管近年来,基因编辑和其他基 因治疗手段已让科学家能够在活细 胞中修改基因,但要在不干扰整个生 物体的情况下,只对某一类型的细胞 进行基因干预,依然存在挑战。这主 要是因为对于控制基因开启和关闭 的 DNA 开关 —— 顺式调节元件 (CRE)的理解还不够深入。此次创 新的核心在于,新方法可以针对特定 的细胞类型来提高或降低基因表达, 却不会影响到身体其他部分。

团队采用了深度学习算法,基于 数十万个人类基因组中的DNA序列 训练了一个模型。通过这个模型,他 们可在实验室环境中测量3种细胞 (血液、肝脏和大脑)中 CRE的活 性。该AI模型可预测任意序列的活 性,从而揭示了DNA中新的模式以 及CRE序列的语法是如何影响 RNA生成量的。

基于上述发现,团队构建了名 为 CODA(计算优化 DNA活性)的 平台。通过结合实验数据和计算建 模的迭代过程,该平台不断改进其 预测 CRE 生物学效应的能力,成功 设计出了自然界中未曾出现过的

经过测试,新设计的合成 CRE 表现出了比天然存在的CRE更优异 的细胞类型特异性。它们不仅包含 了促进目标细胞类型中基因表达的 序列,还含有抑制非目标细胞类型 中基因表达的元素。目前,团队已 在斑马鱼和小鼠身上验证了几种合 成CRE序列的有效性。

这一突破性进展意味着,未来可 能实现更加精确和个性化的基因疗 法,为预防和治疗疾病开辟了新途径。

在生物体内,并不是所有基因 都会在合适的细胞和合适的时间点 发挥作用。CRE的功能,就在于确 保适当的基因在正确的时间、正确 的地点被激活。譬如,避免皮肤细 胞使用了大脑所需的基因,或是防 止成人体内激活仅在早期发育阶段 需要的基因。此次团队不仅合成了 全新的 CRE,还展示了如何使用这 些CRE选择性地激活大脑、肝脏或 血液细胞中的基因,同时确保这些 基因在其他类型的细胞中保持沉 默。这在生物医学和技术上具有双 重重要意义。

数

H

准

控

因

表





焦 耳又 匥

浙江大学第四届中德可持续发展论坛成功举办

◎本报驻德国记者 李 山

近日,浙江大学在德国柏林成功举 办第四届中德可持续发展论坛。中德 两国20余位医学领域的资深专家,围 绕医学研究临床新前沿的主题,聚焦 神经科学、母婴健康、癌症研究、免疫 相关疾病的新疗法,以及人工智能在 医学中的变革性作用,进行了深入探讨

本届论坛是第十六届世界卫生峰 会(WHS 2024)的边会,由浙江大学、 世界卫生峰会和夏里特医学中心联合

浙江大学副校长李晓明在开幕致 辞中表示,中德两国携手探索医学创新 与可持续发展,不仅促进双方医疗科研 的飞跃,更为全球医疗卫生事业的进步 增添新动力。世界卫生峰会主席阿克 塞尔·普里斯教授在致辞中表示,德中 两国作为世界卫生事业的重要力量,肩 负着推动全球卫生事业可持续发展的

主旨演讲环节,中国科学院院士高 福教授分享了在疫苗研发及治疗性单 克隆抗体方面的最新进展。夏里特医 学中心生物化学与分子生物学研究院 院长布丽塔•艾克霍尔特教授报告了在 中枢神经系统损伤模型中,星形胶质细 胞反应性和瘢痕形成的细胞内机制方 面的新成果。

在"神经科学与心理健康"分论坛 中,专家们聚焦焦虑障碍的神经机制、 神经元网络的高速同步等领域并进行 深入交流。

"癌症与免疫学治疗新进展"分论 坛则围绕炎症性自身免疫疾病的自身 免疫重置、癌症的代谢重编程与免疫逃 逸、分子病理学与精准肿瘤学的新趋 势、新型细胞疗法的临床研究等进行研 讨。

"妇女儿童疾病与研究"分论坛主 要围绕三阴性乳腺癌的治疗靶点识别、 妇科恶性肿瘤治疗新进展等最新研究

"医学领域中的AI技术运用与新 技术实施"分论坛中,专家们围绕侵入 式脑机接口在运动功能重建与临床转 化中的研究、数字手术以及基于AI的 肿瘤新生抗原预测与个性化疫苗设计 等讨论了最新科研进展。

癌细胞借核糖体"躲避"免疫追踪

科技日报讯 (记者张佳欣)荷兰 癌研所科学家证实,癌细胞可利用这 些核糖体来增强它们的"隐形"能力, 从而躲避免疫系统的追踪。相关论文 10月21日发表在《细胞》杂志上。这 一发现改变了人们对核糖体的认知。

免疫系统时刻在监控着人们 的身体。为了生存,癌细胞需要避 开这种检查。癌细胞可能会利用 人体的蛋白质工厂来让自己"隐 身"。每个细胞中都包含数百万个 微小工厂——核糖体。

新研究表明,当细胞接收到来 自免疫系统的危险信号时,它们会 改变核糖体,使一种带有伸出的灵 活臂的核糖体(称为P-柄)占据优 势。这种变化会加速特定抗原呈 递,响应免疫系统。也就是说,正常 细胞会表现得更活跃,更积极地向 免疫系统展示自己。

团队发现,癌细胞能"故作镇 定",即通过影响它们的核糖体,使具 有 P-柄的核糖体更少,这意味着它 们"表面"(外壳)展现的"情绪"更少。

就像人的面部表情一样,细胞 表面也能透露出很多内部正在发生 的事情。细胞用小块蛋白质"包装" 自己,这样,免疫系统才能识别它 们,并判断何时出现问题。如果癌 细胞能扰乱这一过程,它就能对免 疫系统隐形。

团队正试图弄清楚原理,如果遏 制它们这种伪装能力,或许能让癌细 胞更显眼,从而被免疫系统发现。

戒不掉碳水?或是基因在起作用



淀粉酶影响着人类消化复杂碳水 化合物的方式。左边为淀粉酶基因位 图片来源:杰克逊实验室

◎本报记者 张梦然

如果你发现自己难以抵挡面包、面 条或米饭的诱惑,那么你或许可以将一 部分责任推给远古祖先。因为一项发 表在《科学》上的最新研究,揭示了一个 有趣的事实:人类对碳水化合物的渴 望,可能深深植根于我们的基因中,尤 其是唾液淀粉酶基因(AMY1)。

想象一下,在大约80万年前—— 比农业出现还要早得多的时候,一个小 小的基因复制事件悄然发生,就像一颗 石子投入了平静的池塘,激起层层涟 漪。这颗"石子"就是唾液淀粉酶基因 的首次复制,它让早期人类具备了更高 效地分解食物中淀粉的能力。一项由 美国布法罗大学和杰克逊实验室主导

的研究,利用了先进的基因组技术,如 光学映射和长读测序,为我们揭开了这 个古老故事的一角。

故事的核心内容,讲述了这个存在 于人类口腔中并能分解复杂碳水化合 物(如米饭、面包和面条)的关键基因, 其副本数量竟然早在80多万年前就开 始增加。而正是AMY1基因的复制,为 人类的身体消化大量淀粉类食物打好 了基础。

研究人员分析了包括尼安德特人 和丹尼索瓦人在内的68个古人类基因 组,发现当时的狩猎者就已经拥有4到 8个AMY1基因副本。这意味着,在我 们开始种植小麦和水稻之前,人类的身 体其实已经在准备迎接即将到来的"淀 粉盛宴"了。

而当农业兴起时,那些携带更多 AMY1基因副本的人能够更好地适应 新的饮食模式,他们不仅能更有效地

消化富含淀粉的食物,还可能因此有 了更强壮的体魄去繁衍后代。结果, 这些人的后代逐渐成为了社会的主要 组成部分,他们的遗传特征也随之广 泛传播开来。

有趣的是,不仅是人类,就连与我 们共同进化的家养动物,比如狗和猪, 也因为与人类共享富含淀粉的饮食,而 拥有了更多的 AMY1 基因副本。这像 是大自然精心设计的一场共舞,让我们 与宠物伙伴一同享受美食的同时,也促 进了彼此的生存与发展。

现在,当我们站在超市里纠结是否 要买下一袋美味的面包时,不妨想想这 背后隐藏着的数百万年的进化历程。我 们可以感谢那些古老的基因,它们不仅 帮助我们的祖先度过艰难岁月,也赋予 了现代生活一抹别样的风味。下次当你 忍不住吃掉那口香甜的面包时,也许你 可以告诉自己:"我的基因让我这么做!"

新型抗生素能诱导细菌自毁

科技日报讯 (记者刘霞)为应对 抗生素耐药性这一日益严峻的挑战, 科学家正不遗余力探寻新方法突破细 菌细胞的防御系统。加拿大科学家开 发出一种新型化合物,能诱使细菌细 胞自毁。相关论文发表于新一期《药 物化学》杂志。

这种新型抗生素靶向一种天 然 酶 —— 酪 蛋 白 水 解 蛋 白 酶 P (ClpP)。这种酶负责消灭老旧或有 缺陷的蛋白质,对于维护细胞功能 的正常运转至关重要。新型化合 物会使 ClpP 酶"超速运转",开始 "吞噬"那些本不应理会的蛋白质, 最终导致细菌细胞从内到外被彻

值得注意的是,这种酶不仅存在

于细菌体内,也存在于人体细胞中。 因此,研究人员在开发这种新型抗生 素时,面临一个巨大的挑战:如何只精 准攻击细菌的 ClpP酶,而不影响人类 的ClpP酶。 为解决这一问题,研究团队借助

"加拿大光源"的强大功能,将人类 ClpP酶和细菌 ClpP酶之间的结构差 异进行了可视化,并深入了解了新型 化合物在攻击 ClpP 酶时的行为。最 终,研究团队利用人类酶和细菌酶之 间的微小结构差异,设计出了可精准 靶向有害细菌而不会损伤人体细胞的 化合物。

研究团队认为,这种新抗生素在 治疗脑膜炎等细菌感染方面拥有巨大 潜力。